

| Accession | Gene | Length (bp) | EST | EST |
|-----------|----------|-------------|-----|-----|
| U00001 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00096 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00866 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00867 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00868 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00869 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00870 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00871 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00872 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00873 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00874 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00875 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00876 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00877 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00878 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00879 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00880 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00881 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00882 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00883 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00884 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00885 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00886 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00887 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00888 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00889 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00890 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00891 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00892 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00893 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00894 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00895 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00896 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00897 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00898 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00899 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00900 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00901 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00902 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00903 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00904 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00905 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00906 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00907 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00908 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00909 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00910 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00911 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00912 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00913 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00914 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00915 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00916 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00917 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00918 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00919 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00920 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00921 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00922 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00923 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00924 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00925 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00926 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00927 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00928 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00929 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00930 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00931 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00932 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00933 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00934 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00935 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00936 | 16S rRNA | 1489 | 1 | 1 |
| U00937 | 23S rRNA | 2301 | 1 | 1 |
| U00938 | 5S rRNA | 120 | 1 | 1 |
| U00939 | 16S rRNA | 1489 | | |

[illegible]

Alignment Scores:

| | | | |
|---------------------|--------|-------------------|--------|
| Quality: | 48.50 | Length: | 152 |
| Ratio: | 4.278 | Gaps: | 3 |
| Percent Similarity: | 76.974 | Percent Identity: | 49.342 |

Alignment Blocks:

US 09 516 052 2 X HF26 4455

Align Seq 1/1 for HF26 4455 from: 1 to: 595

```

28  ATGCTGCTGASPGINLYMOTProIleAlaSNVAlIleAPtIleMetAl 44
   |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||
130  TGGATATACCAATACCTTCCTCCATCCGCAAGCGCACCGGATCATGAA 179
   |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||
44  GTSSThLeuProSerHISAlaLysIleSerAspAspAlaLysGluThrI 61
   |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||
180  TAAAGATATCTCTGATATATGATATATATATATATATATATATATAT 229
   |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||
64  TGGTGGTGTSSVALSerHISGluIleIleSerGluValAThrGlyGluAlaSN 77
   |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||
230  TATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 279
   |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||
78  TGGATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 94
   |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||
280  TATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 329
   |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||
94  GCTTATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 111
   |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||
430  TGGATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 479
   |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||
111  ATGGTGGATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 124
   |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||
400  ATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 429
   |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||
424  ATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 455
   |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||
450  ATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 479
   |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||
135  GCTGCTGATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 152
   |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||
430  TGGATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 529
   |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||
152  GCTGCTGATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 168
   |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||
530  TGGATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAT 555
   |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||
154  MetGly 179
   |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||  |||||
556  ATGAT 595

```

